

10	20	30	40	50	60
GAAACAGTATGAAAGGGGTAATTTTATATGTTCTTTAATCGCGTTATTACATTAAACAGTA					
METPhePheAsnArgValIleThrLeuThrVal					
70	80	90	100	110	120
CCATCTTCAGATGTGGTTAATTATAGTGAAATTTATCAGGTAGCTCCACAATATGTGAAT					
ProSerSerAspValValAsnTyrSerGluIleTyrGlnValAlaProGlnTyrValAsn					
130	140	150	160	170	180
CAAGCTCTTACGCTAGCTAAATATTTCCAAGGAGCAATTGATGGTTCAACATTACGTTTT					
GlnAlaLeuThrLeuAlaLysTyrPheGlnGlyAlaIleAspGlySerThrLeuArgPhe					
190	200	210	220	230	240
GATTTTGAAAAAGCCTTACAAATTGCAAATGATATTCCACAGGCAGCAGTGGTAAACACT					
AspPheGluLysAlaLeuGlnIleAlaAsnAspIleProGlnAlaAlaValValAsnThr					
250	260	270	280	290	300
TTAAATCAAACGTGTGCAGCAAGGTACAGTCCAAGTATCAGTGATGATAGACAAGATTGTA					
LeuAsnGlnThrValGlnGlnGlyThrValGlnValSerValMETIleAspLysIleVal					
310	320	330	340	350	360
GACATTATGAAGAATGTATTATCTATTGTAATTGATAACAAAAAGTTTTGGGATCAGGTA					
AspIleMETLysAsnValLeuSerIleValIleAspAsnLysLysPheTrpAspGlnVal					

FIG. 1A

370	380	390	400	410	420
ACAGCTGCTATTACAAATACATTCACAAATCTAAATTCGCAAGAAAGCGAAGCATGGATT					
ThrAlaAlaIleThrAsnThrPheThrAsnLeuAsnSerGlnGluSerGluAlaTrpIle					
430	440	450	460	470	480
TTTTATTACAAAGAAGATGCACATAAACTAGTTACTATTATAATATCTTATTTGCTATA					
PheTyrTyrLysGluAspAlaHisLysThrSerTyrTyrTyrAsnIleLeuPheAlaIle					
490	500	510	520	530	540
CAGGATGAGGAAACAGGTGGGGTAATGGCGACATTACCGATTGCATTTGATATTAGTGTA					
GlnAspGluGluThrGlyGlyValMETAlaThrLeuProIleAlaPheAspIleSerVal					
550	560	570	580	590	600
GATATTGAAAAAGAAAAGGTTCTATTTGTTACTATCAAGGATACTGAAAATTATGCGGTT					
AspIleGluLysGluLysValLeuPheValThrIleLysAspThrGluAsnTyrAlaVal					
610	620	630	640	650	660
ACAGTAAAAGCTATTAATGTAGTACAAGCACTTCAATCTTCCCGAGATTCAAAGTTGTA					
ThrValLysAlaIleAsnValValGlnAlaLeuGlnSerSerArgAspSerLysValVal					
670	680	690	700	710	720
GATGCTTTTAAATCGCCACGTCACCTACCTAGAAAAAGACATAAAATTTGTAGTAACTCT					
AspAlaPheLysSerProArgHisLeuProArgLysArgHisLysIleCysSerAsnSer					
TAA					

FIG. 1B